

機能ゲノム学(2014年6月4日)課題の回答とコメント

課題:ROKU 実行結果の解釈

Q1:MAS5 データ変換後のエントロピー値(modH 列の値)の最小値と最大値を示せ。

Minimum modH value (最小値) = **3.165655**

Maximum modH value (最大値) = **5.076170**

小数点以下の桁数は特に指定しませんでした。3.16、5.07 という記述は四捨五入を正しく行っていないという点で減点です。3.17、5.08 は OK としています。

Q2:MAS5 データ変換後のエントロピー値(modH 列の値)が 4.0 以下の probeset 数を示せ。

Number of probesets with modH \leq 4.0

「145」です。「88~253」という記述は当然減点です。

Q3:ROKU 実行結果全体について簡単に考察せよ。(例:特異的高発現と特異的低発現の組織数分布、特異的組織数とエントロピー値との関係など) Discuss the result

「エントロピー値が低いほど特異的発現を示す遺伝子が多く、エントロピー値が高いほど特異的発現を示す遺伝子数は少なくなる傾向にある」みたいなことがかかれていれば OK です。エントロピーが低いほうや高いほうのみにフォーカスした考察でも OK にしています。

自由記載欄