**機能ゲノム学（2019年06月03日）課題（提出期限：2019年06月10日）**

PC情報（clientXX, iupcXX, 持込PCのいずれか）：

受講ID（5桁）：

学生証番号（ない人は空欄で可）：

名前：

**①4,589,774リードからなるDRR000031.fastq.bz2のFastQC実行結果について、②6,000リードからなるDRR000031sub.fastqのFastQC実行結果を比較対象として考察せよ。**

論点1：Per base sequence contentの違い

論点2：Overrepresented sequencesの違い

論点3：上記二つの組み合わせ（可能であれば）

論点4：その他

**感想やコメントなど（optional）：**